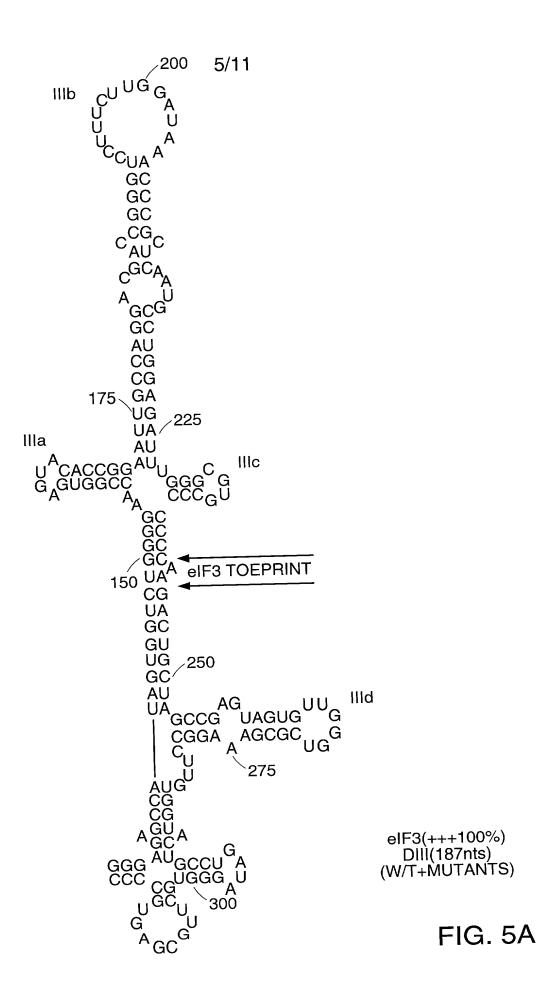
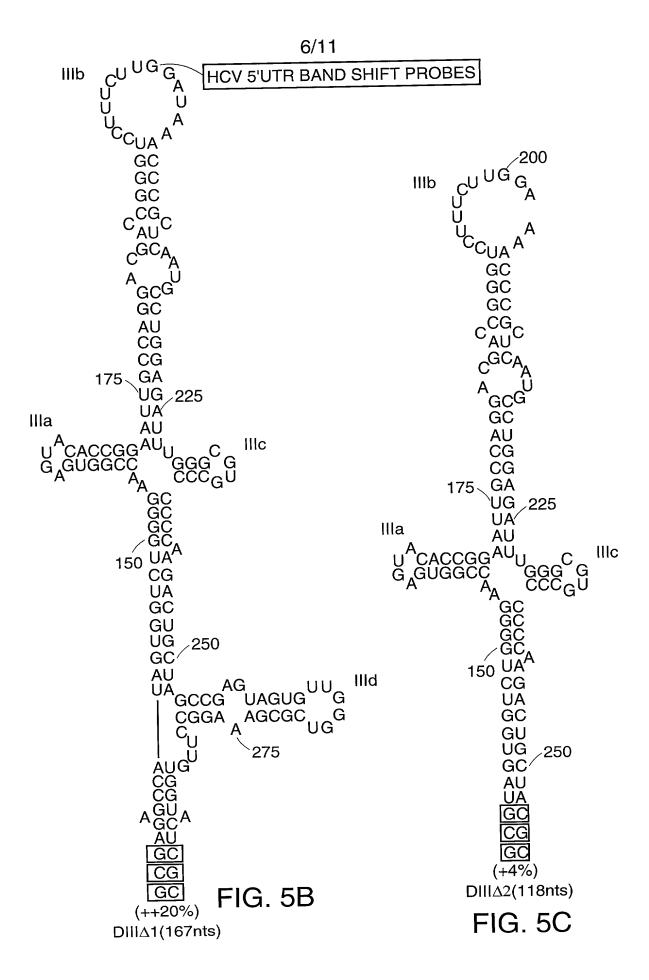


	1000064	GACGACC	gi	1009264	GCTCAA	TGC
gi	1009264		gi	1160327		
gi	1160327		gi	1438429		
gi	1438429 1181831		gi	1181831		
gi		AT	gi	1197128	AT-	
gi	1197128	-GT	gi	1805843		-A-
gi	1805843	-GT	gi	1930117		-A-
gi	1930117 1066559	AT		1066559	AT-	
gi		T	gi	1066561		
99999999999	1066561		gi	1805796		
	1805796	T	gi	329915		
	329915 1066557		gi	1066557		
	1066567		gi	1066567		
	2388526	T	gi	2388526		
	1066617	T	gi	1066617		
	1930119	T	ği	1930119		
	1183032	-TT	ai	1183032		
	1197096	AT	qi	1197096	AT-	
	2809127		q1	12809127		
	1009258	T	qı	1009258	- G	
gi			qi	1009266		
gi gi	1066565		gı	1066565		
91	1066577		gi	1066577		
gi gi	1805846		gi	1805846	A	
gi			gi	1805851	G-	
gi	_	A-AT	gi	1805853	AT-	T
gi		-GT	gi	. 2465799		-A-
gi	1		gi	2605601		
gi	1		gi	. 2809126		
gi			gi	_ 2809128		
gi		AT	gi	_ 296246	ATG	
gi		-CT	gi	_ 3152988		-A-
gi		T	gi	3152993		
gi 91			g			-
gi		T	g	i 474334		
- ر	1					

FIG. 3A

FIG. 3B





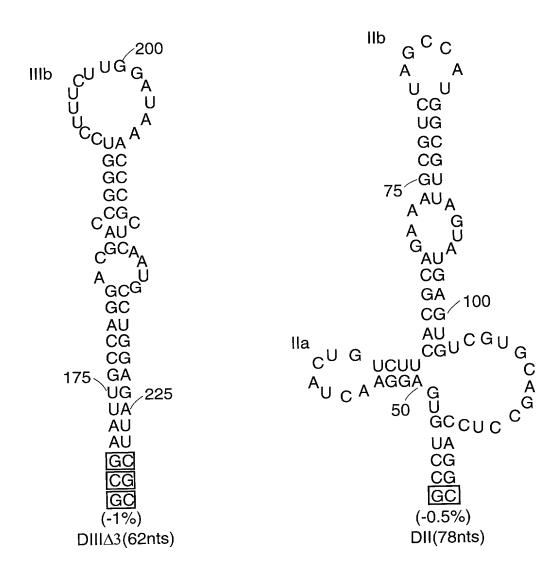


FIG. 5D

FIG. 5E

